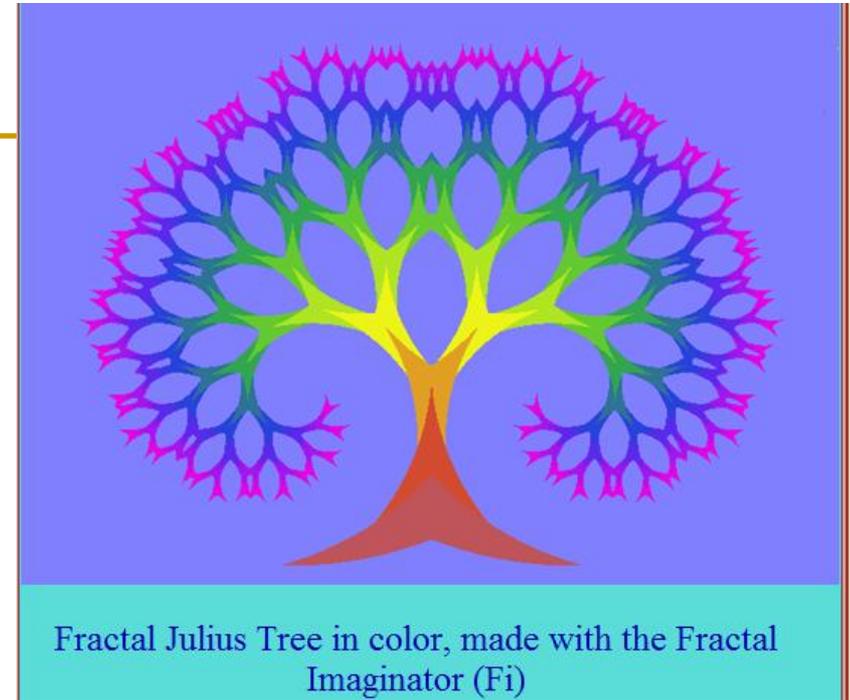


Árvores

Conceitos gerais

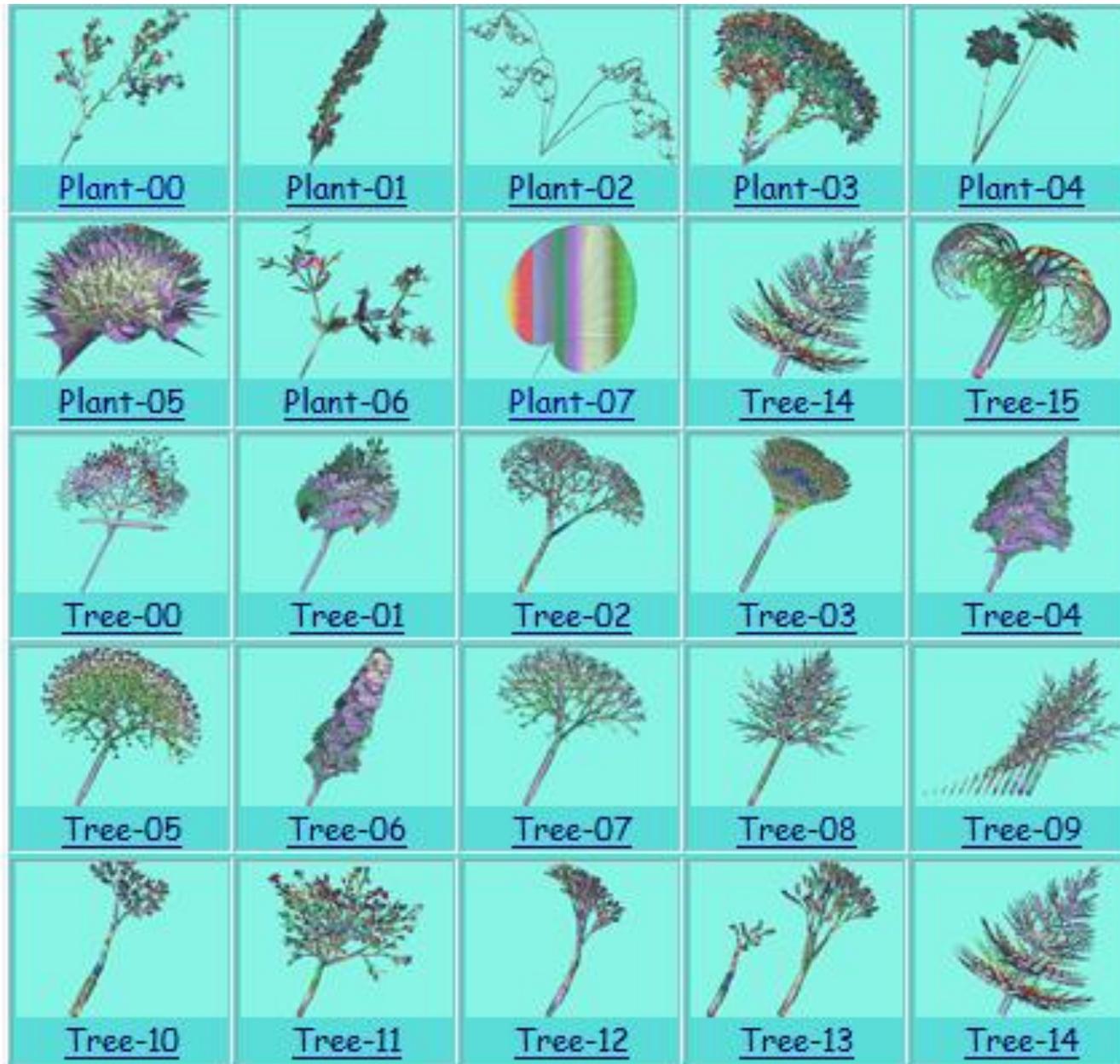


9/11

Nesta aula veremos conceitos e definições sobre árvores

Diferentemente das estruturas de pilhas, filas e listas que são lineares, uma **árvore** é uma estrutura de dados não linear

<http://www.fractal.org/Julius-Ruis-Gallery/Index-FTG.htm>



Problema

- Representações/Implementações do TAD Lista Linear:
 - Lista **encadeada dinâmica**
 - eficiente para **inserção e remoção** dinâmica de elementos (início ou fim), mas ineficiente para busca ($O(n)$)
 - Lista **seqüencial (ordenada) estática**
 - Eficiente para **busca** (busca binária), mas ineficiente para inserção e remoção de elementos (requer abrir espaços)
 - Haveria uma ED que tivesse o melhor desempenho nas 3 operações?
-

Solução

- ❑ Árvores: solução eficiente para inserção, remoção e busca
 - Representação não linear...
 - ❑ Mas as duas (listas e árvores) tem características em comum: são definidas recursivamente!
-

Recursão como ferramenta de definição

Uma lista do tipo T é

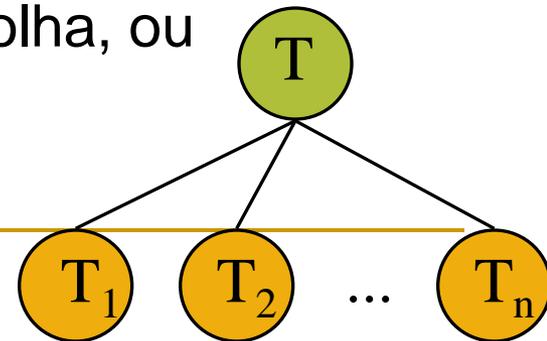
- Uma lista vazia ou
- Uma concatenação de um elemento do tipo T com uma lista cujo tipo básico também seja T

Uma árvore, com tipo T , é

- Uma árvore vazia ou
 - Um nó do tipo T associado a um número finito de estruturas disjuntas de árvore do mesmo tipo T , denominadas **subárvores**
-
- Uma lista pode ser considerada como uma árvore na qual cada nó tem, no máximo, uma única subárvore.
 - Por este motivo, uma **lista** é também denominada **árvore degenerada**
-

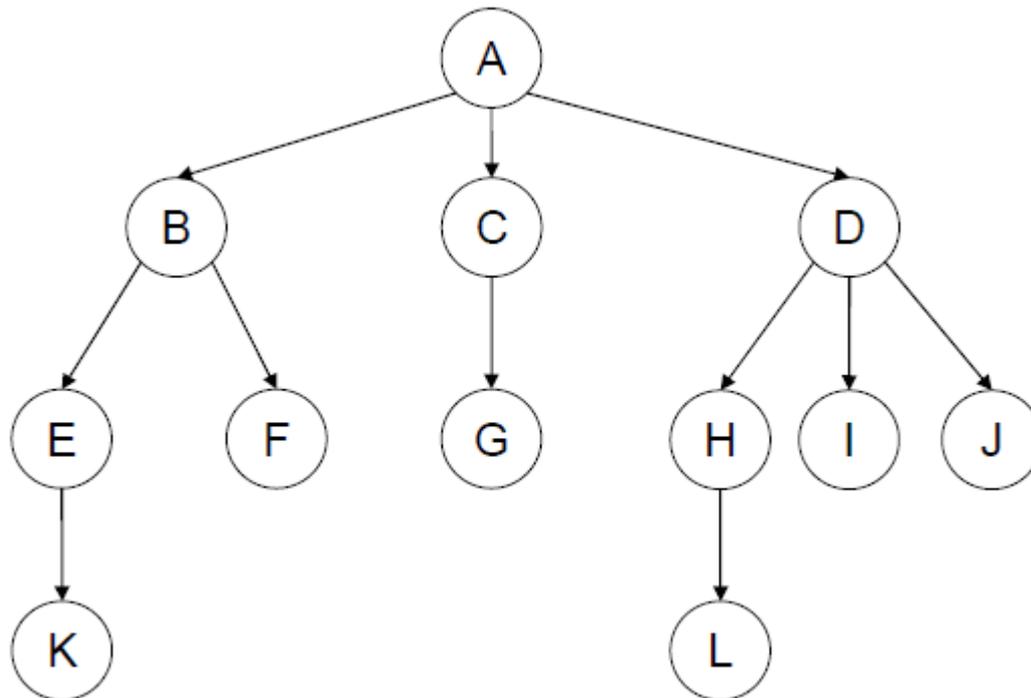
Definição Formal

- Árvore T : conjunto finito de elementos, denominados **nós** ou vértices, tais que:
 - Se $T = \emptyset$, a árvore é dita vazia; c.c.
 - (i) T contém um nó especial, denominado raiz;
 - (ii) os demais nós, ou constituem um único conjunto vazio, ou são divididos em $m \geq 1$ conjuntos disjuntos não vazios (T_1, T_2, \dots, T_n) , que são, por sua vez, cada qual uma árvore;
- T_1, T_2, \dots, T_n são chamadas subárvores de T ;
- Um nó sem subárvores é denominado nó-folha, ou simplesmente, folha



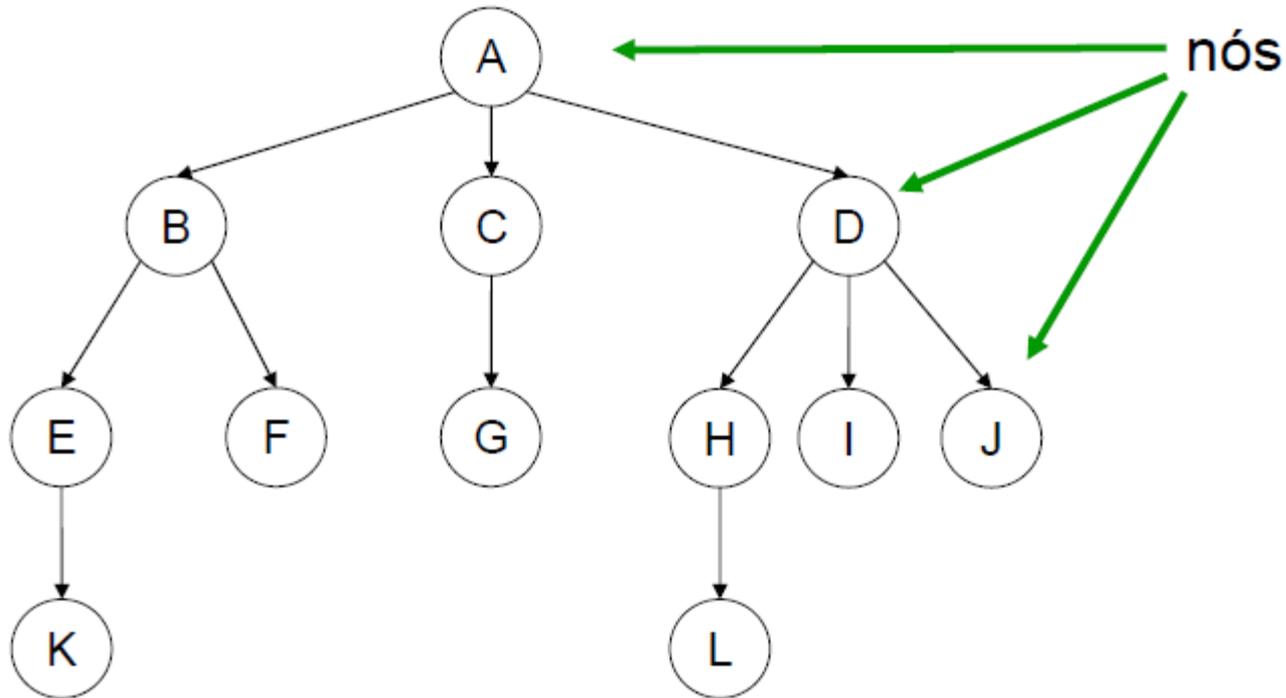
Representação

- Utilizaremos grafos para representar árvores,
 - Que são um conjunto de vértices (nós) e arestas
- Uma árvore é um grafo sem ciclos



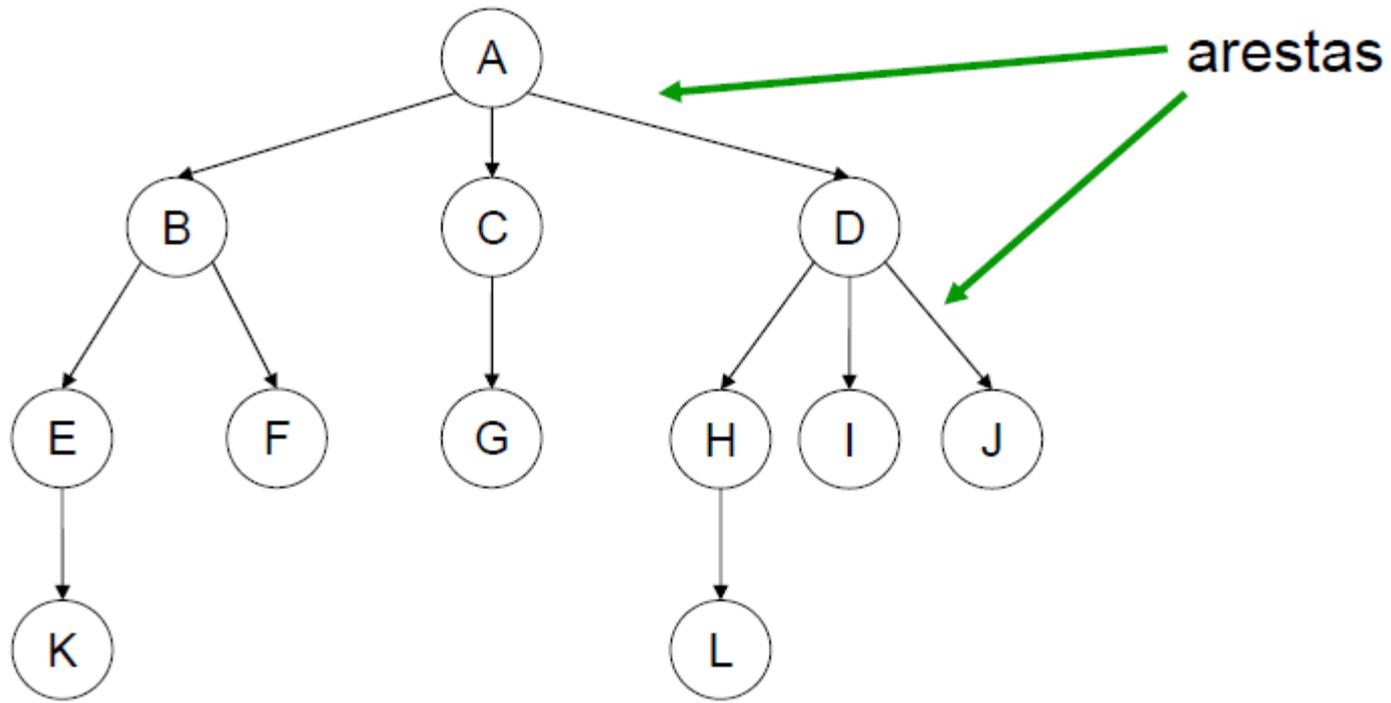
Nós (vértices)

- Esta árvore possui 12 nós (ou vértices).



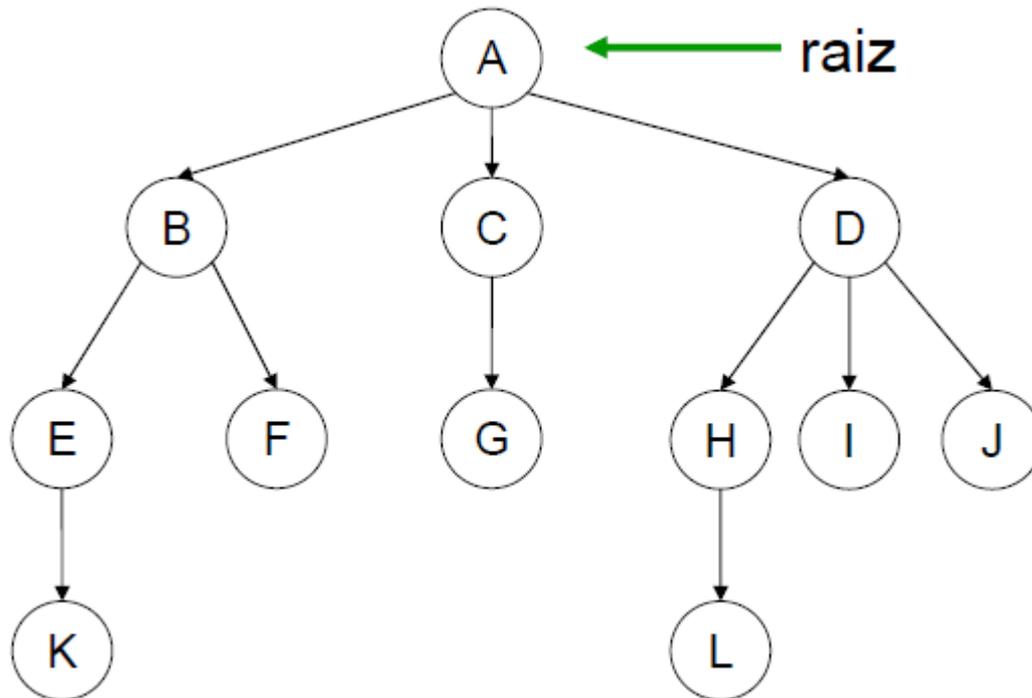
Arestas

- Uma aresta liga um nó a outro.



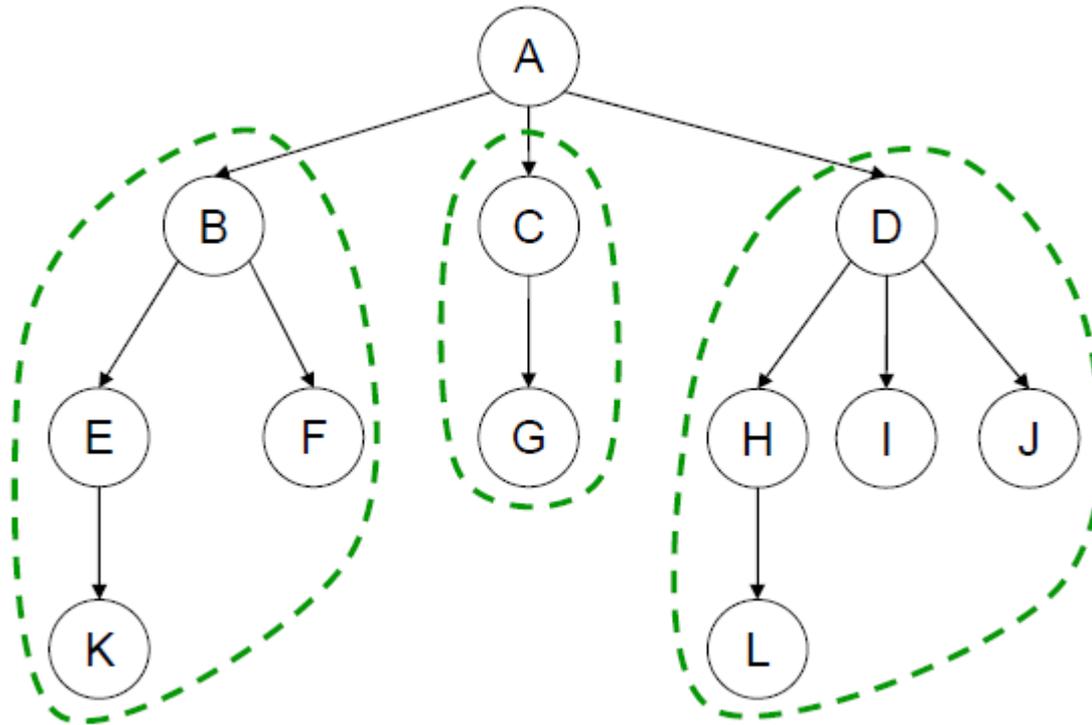
Raiz

- Normalmente, as árvores são desenhadas de forma invertida, com a raiz para cima.



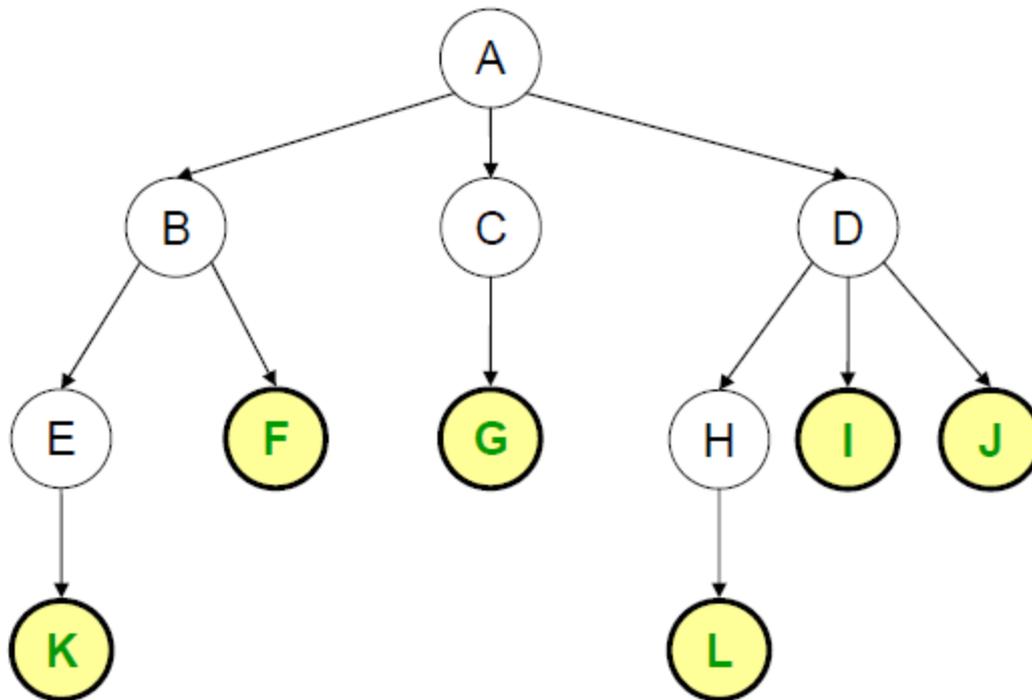
Subárvores

- O nó A possui 3 subárvores cujas raízes são B, C e D.



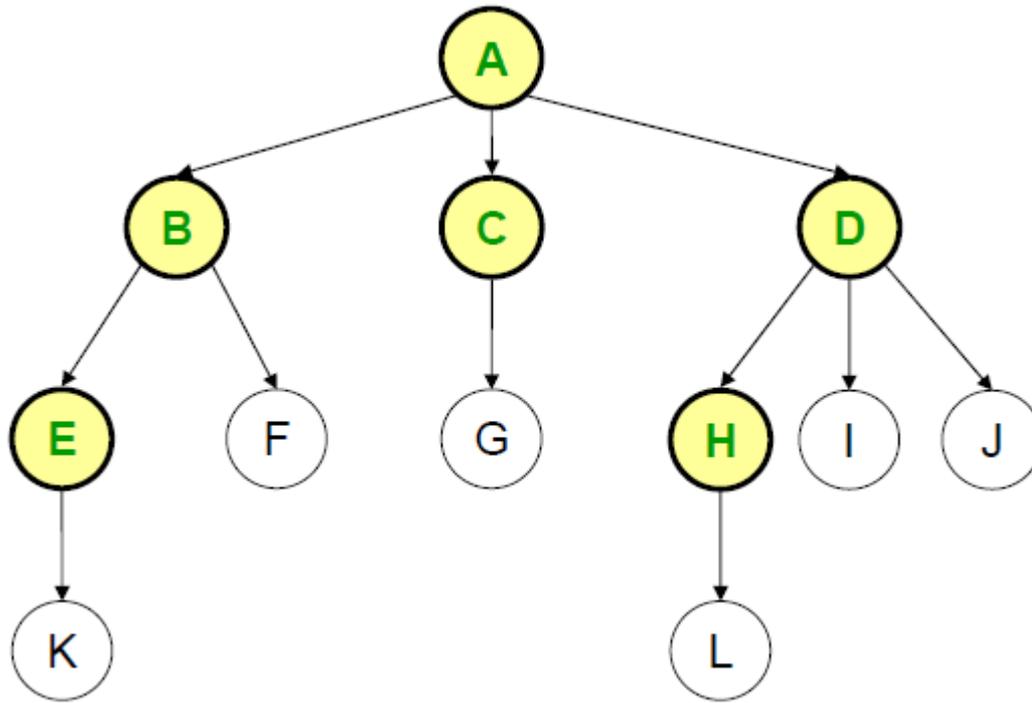
Folha

- Um nó sem descendentes (sem filhos) é denominado terminal ou folha.



Não-Folha

- Um nó com descendentes (com filhos) é denominado não-folha ou nó interior.

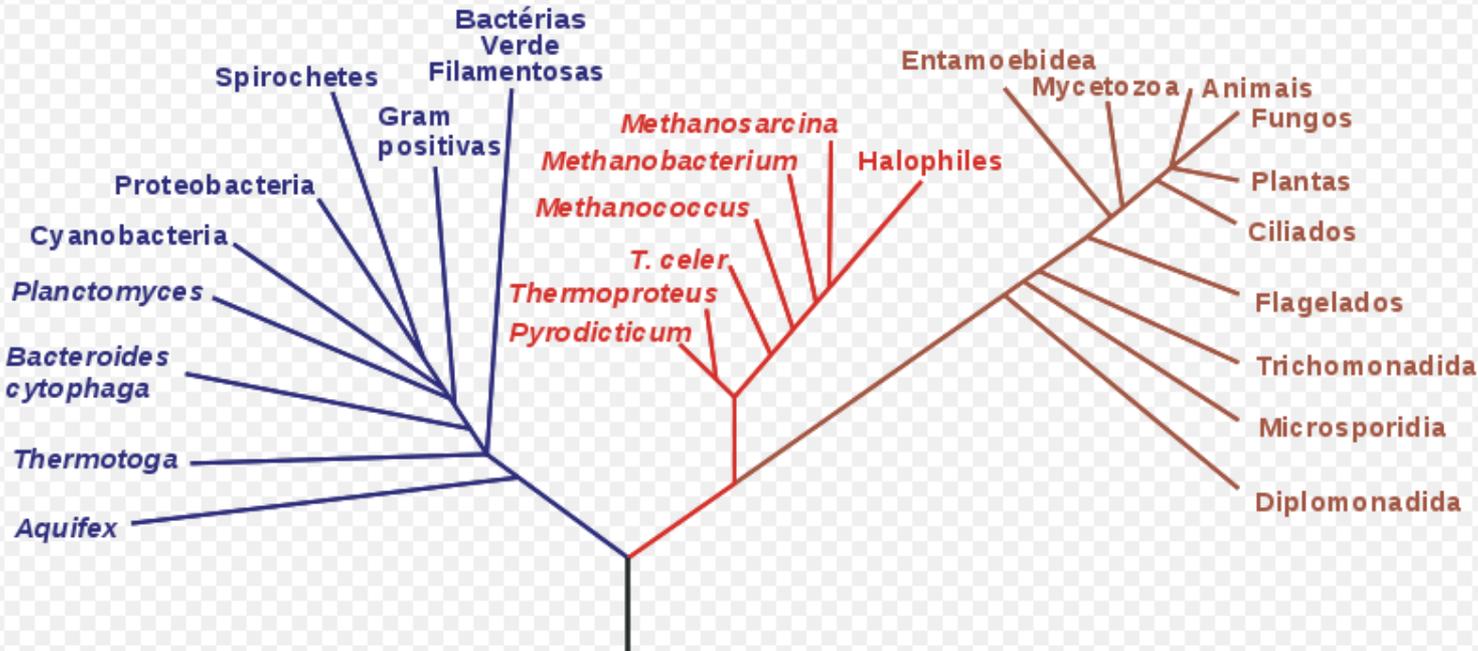


Árvore filogenética da vida

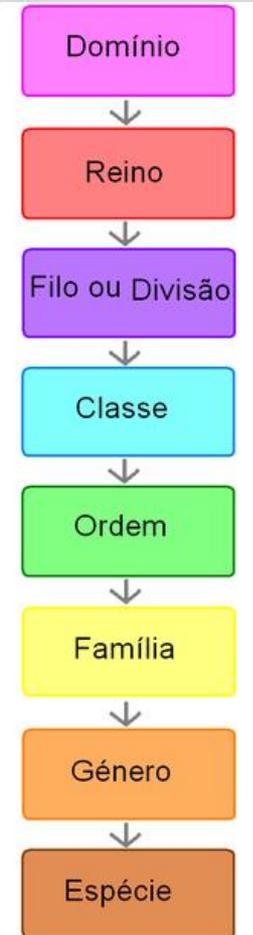
Procariotos
Bacteria

Archaea

Eukaria



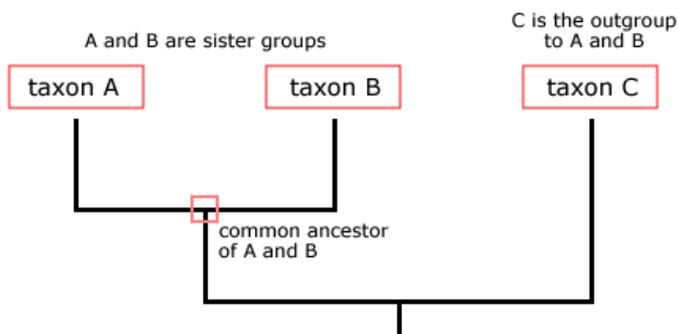
VÍRUS ???



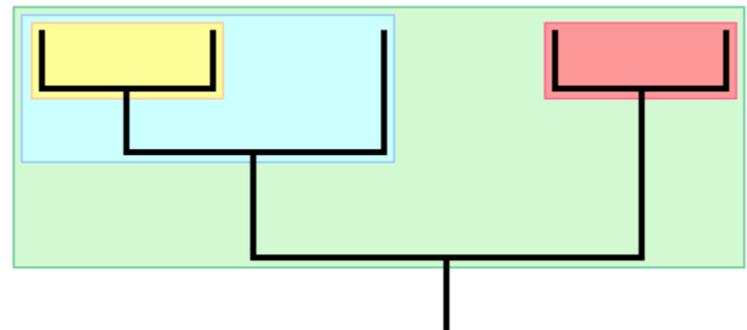
- Árvore: adequada para representar estruturas hierárquicas não lineares, como
 - Taxonomias (espécies vivas) ou classificação biológica.
 - <http://tolweb.org/tree/> (Tree of LifeWeb Project)
 - Relações de descendência (pai, filho, irmãos, etc.)

- Uma **árvore filogenética**, por vezes também designada por **Árvore da Vida**, é uma exibição em forma de uma árvore das relações evolutivas entre várias espécies ou outras entidades que podem ter um antepassado em comum.
- Em uma árvore **filogenética**, cada nodo com descendentes representa o mais recente **antepassado comum**, e os comprimentos dos ramos podem representar estimativas do tempo evolutivo.
- Cada nodo terminal em uma árvore **filogenética** é chamado uma unidade taxonômica.
- Nodos internos geralmente são chamados de Unidades Taxonômicas Hipotéticas.
- As árvores filogenéticas são confeccionadas a partir de uma matriz contendo os dados disponíveis (morfológicos, químicos ou genéticos) sobre os **táxons** estudados.
- Estes dados são comparados, e os táxons agrupados pelas semelhanças e diferenças entre si em **clados**.
- **Atualmente, há alguns softwares disponíveis para a realização destes cálculos.**

http://evolution.berkeley.edu/evolibrary/article/phylogenetics_02

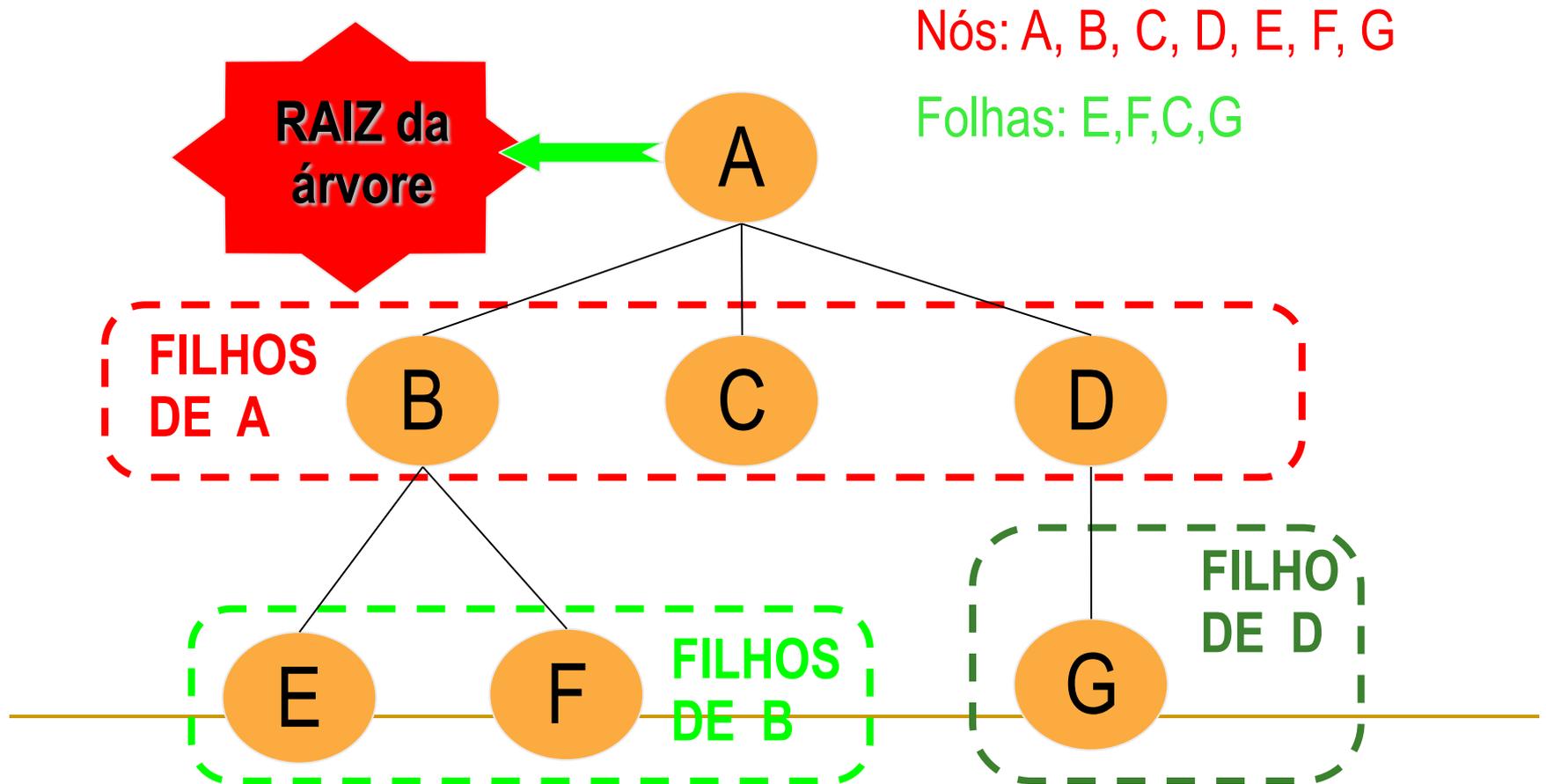


Each colored rectangle below represents a clade:



Nós pais e filhos

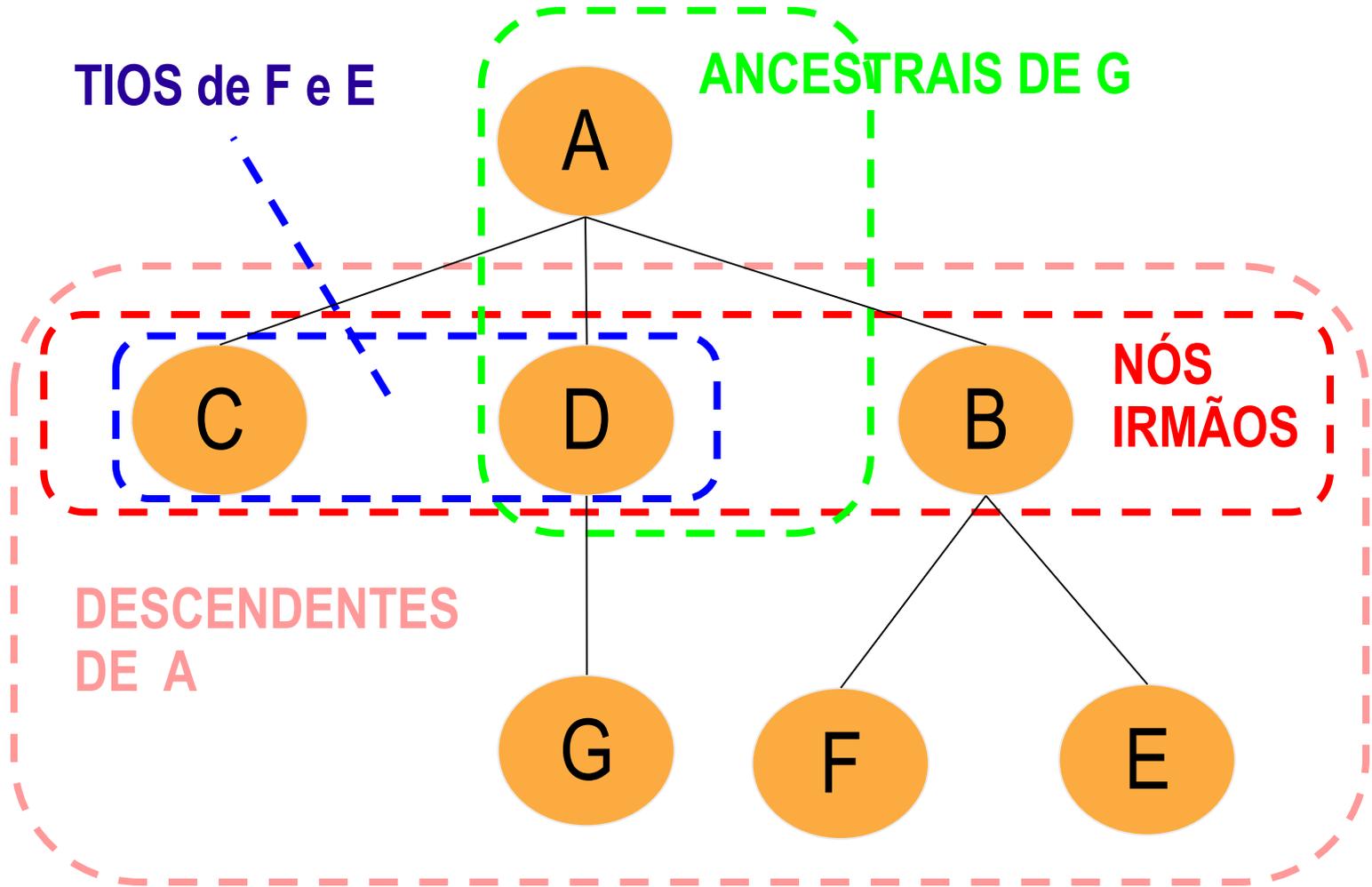
- Se um nó X é raiz de uma árvore, e um nó Y é raiz de uma sub-árvore de X, então X é **PAI** de Y e Y é **FILHO** de X



Ancentral e Descendente; Irmãos e Tios

- O nó X é um **ANCESTRAL** do nó Y (e Y é **DESCENDENTE** de X)
 - se X é o PAI de Y , ou se X é **PAI** de algum **ANCESTRAL** de Y
 - Dois nós são **IRMÃOS** se são filhos do mesmo pai
 - Se os nós Y_1, Y_2, \dots, Y_j são irmãos, e o nó Z é filho de Y_1 , então Y_2, \dots, Y_j são **TIOs** de Z
-

Exemplos



Conceitos

- Nível
 - não há definição única para o valor do nível da raiz
 - Grau
 - Caminho e comprimento do caminho
 - Altura ou profundidade
 - Árvore Ordenada
 - Árvore Orientada (há autores que definem orientada como ordenada; não distinguem os 2 conceitos)
 - Floresta
 - Árvore Cheia
-

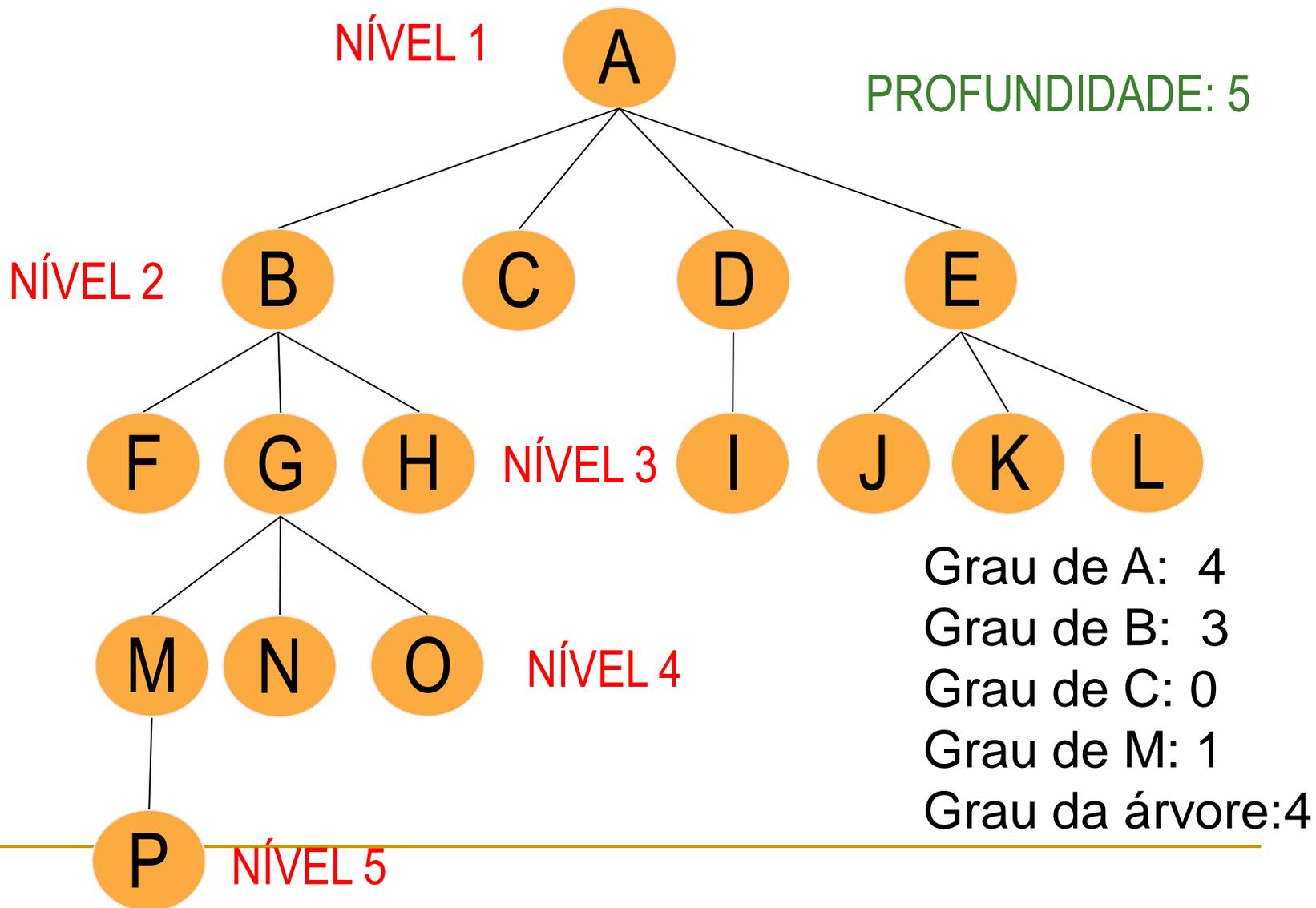
Conceitos

- O **NÍVEL** de um nó **X** é definido como:
 - O nível do nó raiz é 1
 - (esta definição **não é universal** – o nível da raiz pode ser 0)
 - O nível de um nó não-raiz é dado por (nível de seu nó PAI + 1)
- Os nós de maior nível são também nós-folha.

Conceitos

- O **GRAU de um nó X** pertencente a uma árvore é igual ao número de filhos do nó X
 - O **GRAU de uma árvore T** é o maior entre os graus de todos os seus nós
-

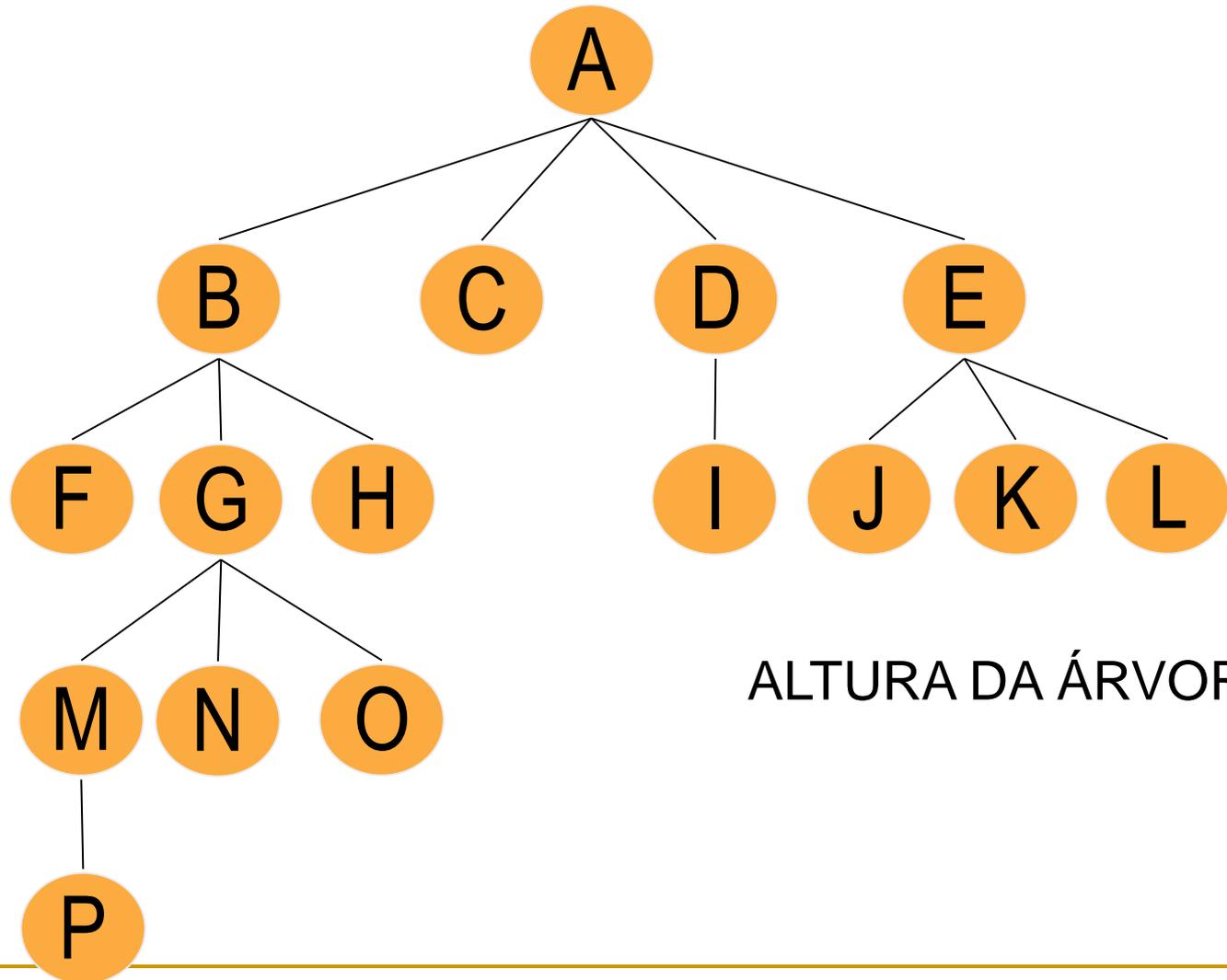
Conceitos



Conceitos

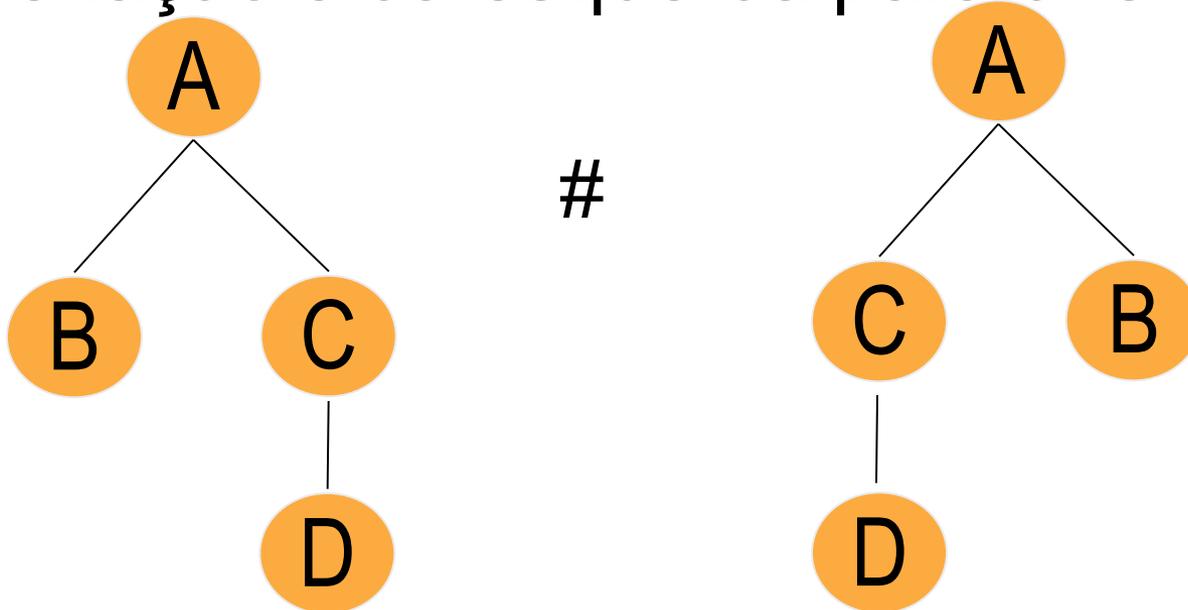
- Uma sequência de nós distintos v_1, \dots, v_k tal que cada nó v_{i+1} é **filho** de v_i é denominada um **CAMINHO** na árvore (diz-se que v_i alcança v_k).
- O número de arestas de um caminho define o **COMPRIMENTO DO CAMINHO**.
- A **ALTURA** ou **PROFUNDIDADE** de uma árvore **X** é dada pelo **MAIOR NÍVEL** de seus nós.
 - Alternativamente, corresponde ao número de nós do maior caminho entre a raiz e os nós folhas.
- Denota-se a altura de uma árvore com raiz **X** por **$h(X)$** , e a altura de uma sub-árvore com raiz **y** por **$h(y)$**

Conceitos



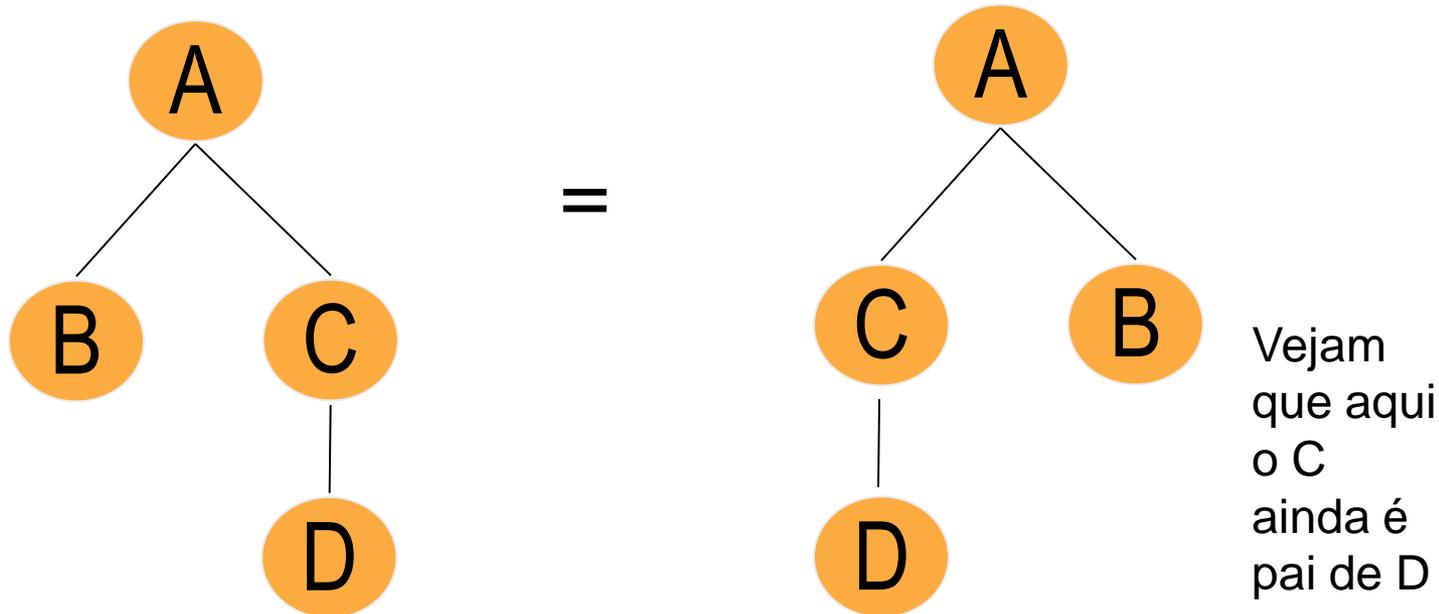
Conceitos

- Uma árvore é **ORDENADA** se considerarmos o conjunto de sub-árvores T_1, T_2, \dots, T_n como um conjunto ordenado. Ordenação é da esquerda para direita.



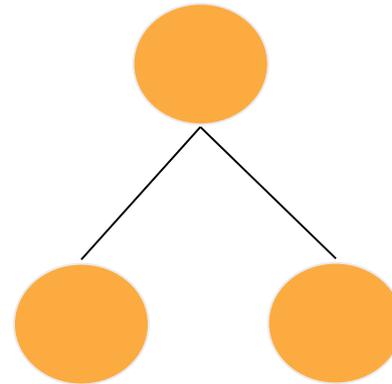
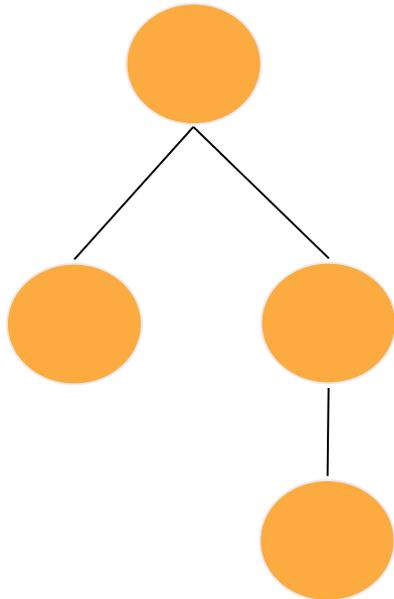
Conceitos

- Uma árvore é **ORIENTADA** se apenas a orientação relativa dos nós – e não sua ordem – está sendo considerada.



Conceitos

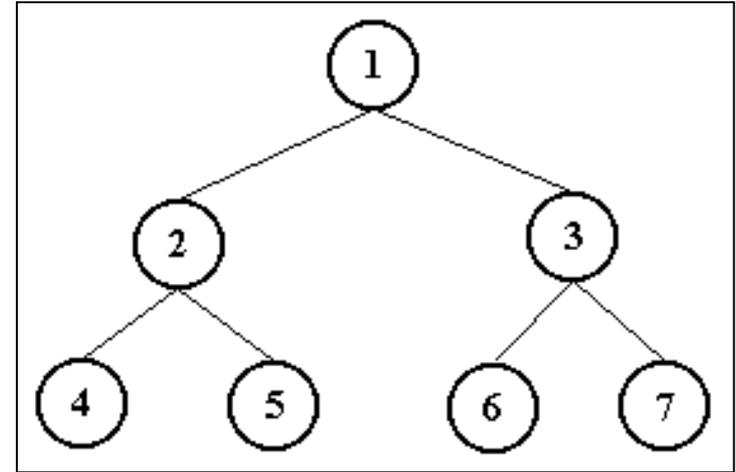
- Uma **FLORESTA** é um conjunto de 0 ou mais árvores distintas



Conceitos

■ Árvore cheia

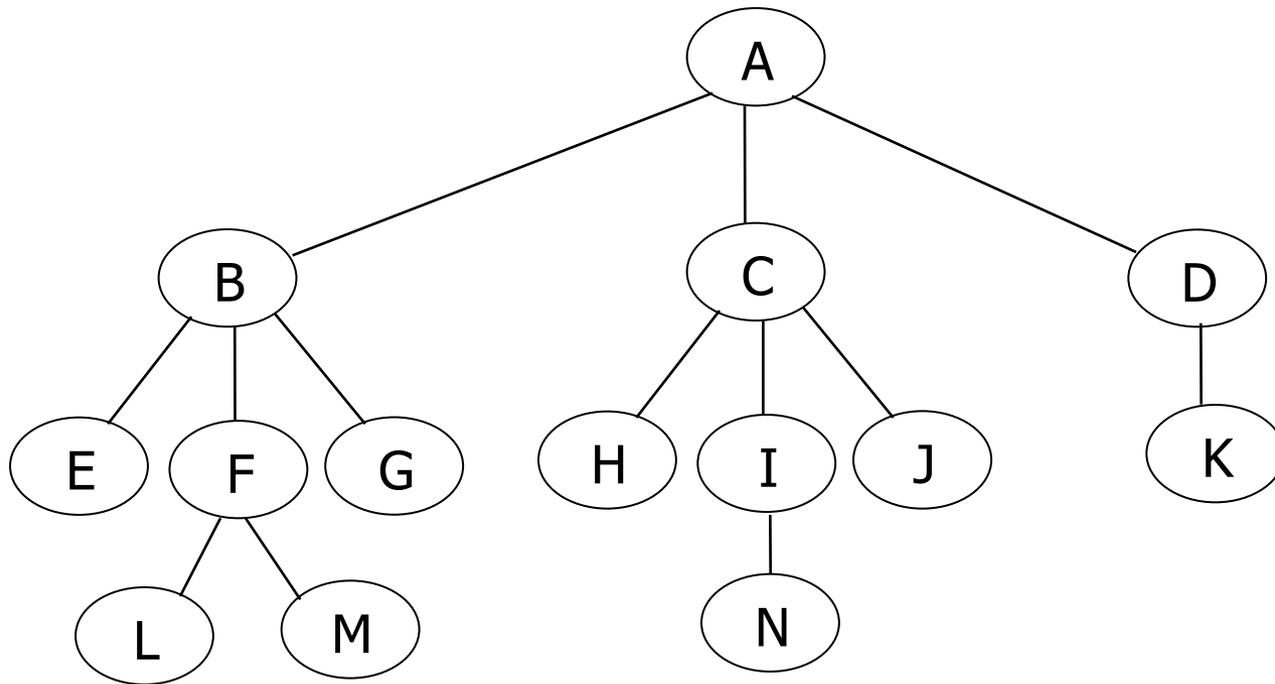
- Uma árvore de grau d é uma árvore cheia
 - se possui o número máximo de nós, isto é, todos os nós tem número máximo de filhos (exceto as folhas, logicamente) e todas as folhas estão na mesma altura



Exemplo de árvore cheia de grau 2

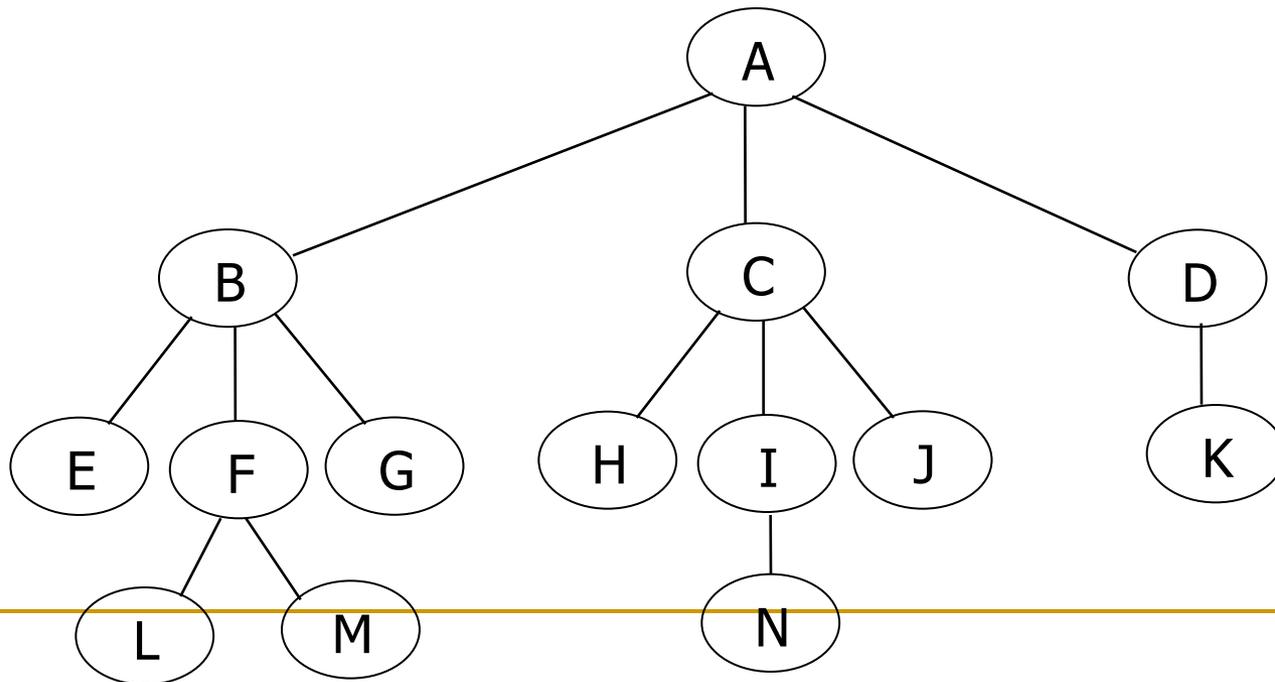
Árvores

- Considere a árvore abaixo
 - Quantas subárvores A tem?



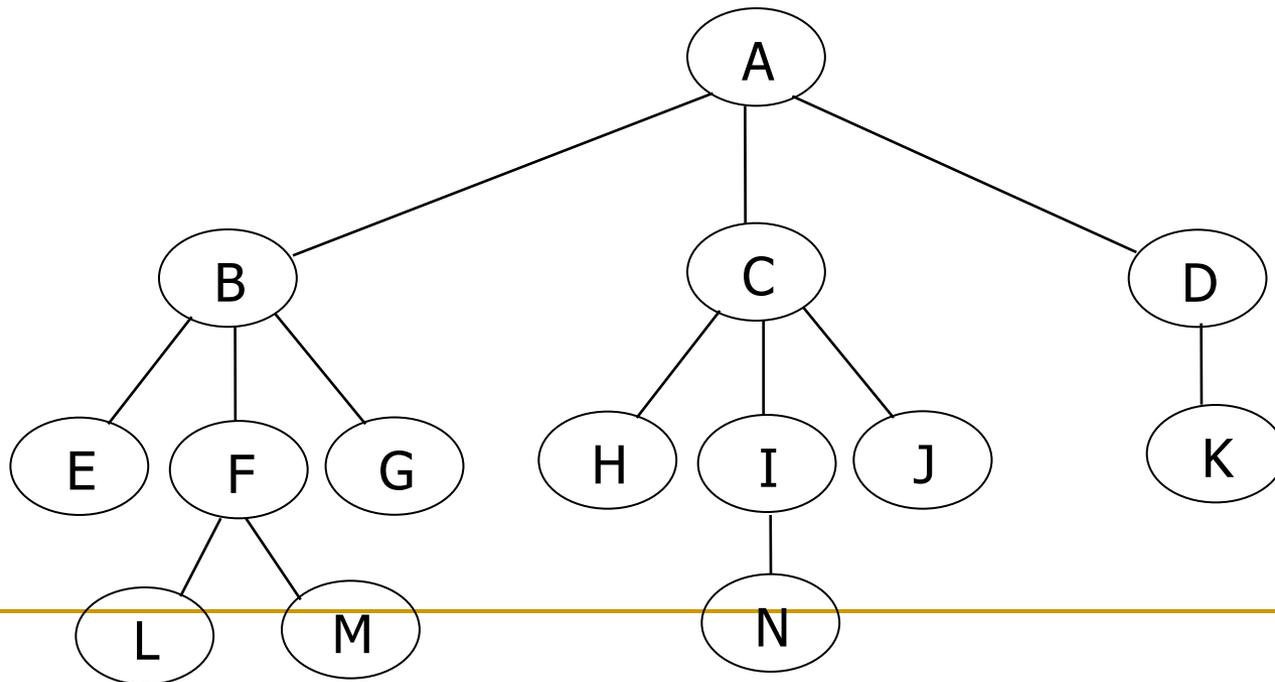
Árvores

- Considere a árvore abaixo
 - Quem são os filhos de A? E os descendentes de A?



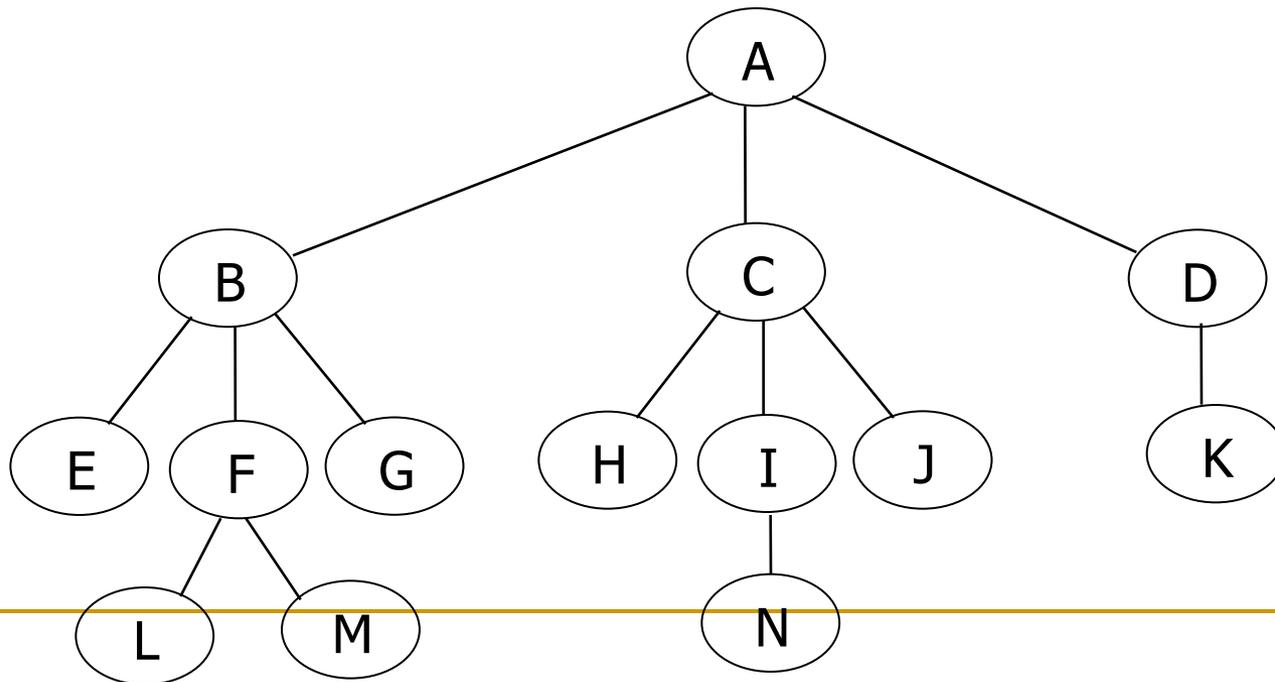
Árvores

- Considere a árvore abaixo
 - Quais são os nós folha dessa árvore?



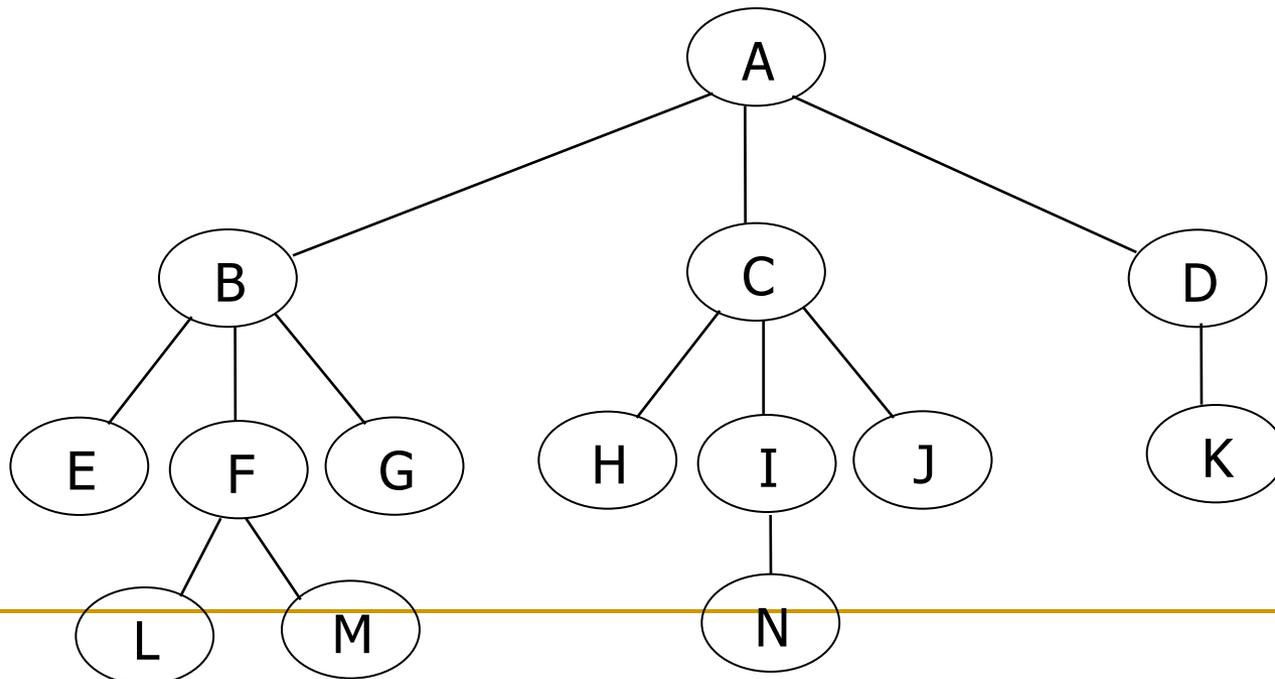
Árvores

- Considere a árvore abaixo
 - Qual o grau dessa árvore?



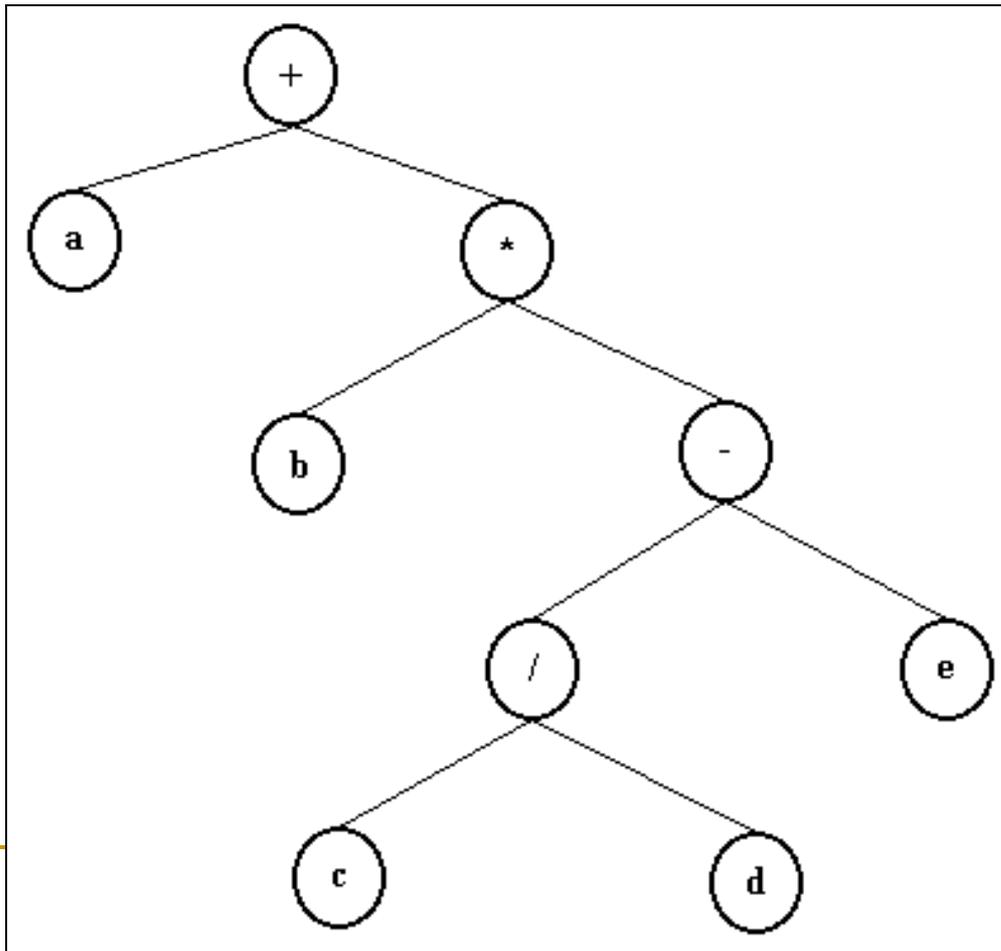
Árvores

- Considere a árvore abaixo
 - Qual a altura dessa árvore?



Exemplo: Representação da expressão aritmética com operadores binários

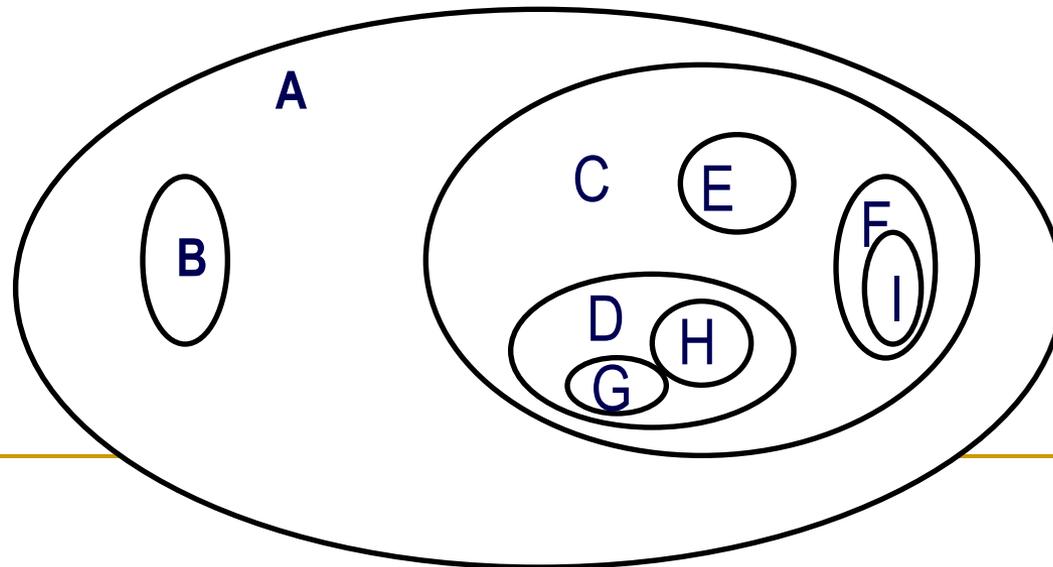
$$(a + (b * ((c / d) - e)))$$



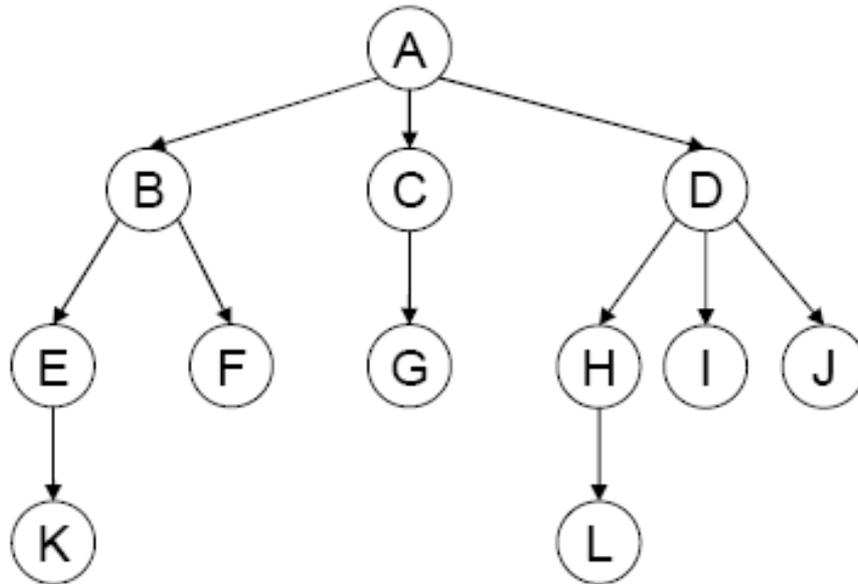
Cada operador é um nó da árvore e seus dois operandos representados como subárvores

Outras Representações Gráficas

- Representação por paragrafação
- Representação por parênteses aninhados
 - (A (B) (C (D (G) (H)) (E) (F (I))))
 - ou seja, uma lista generalizada!!
- Representação por Diagramas de Venn

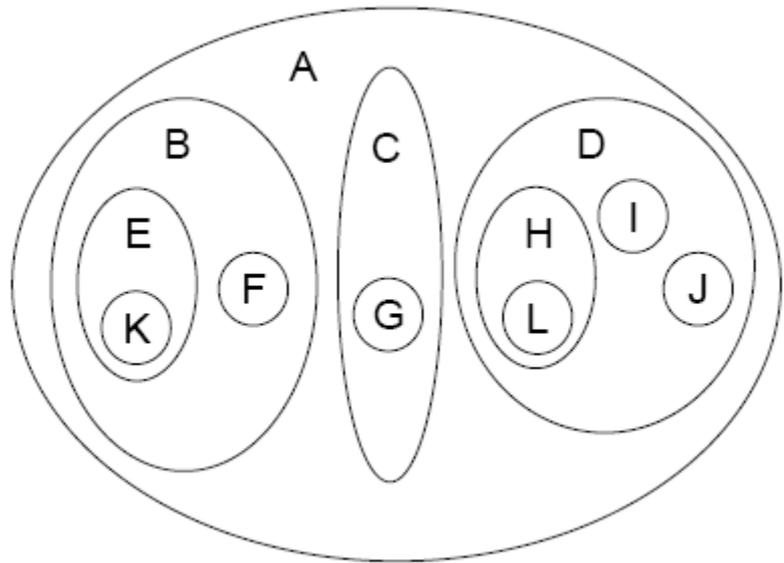
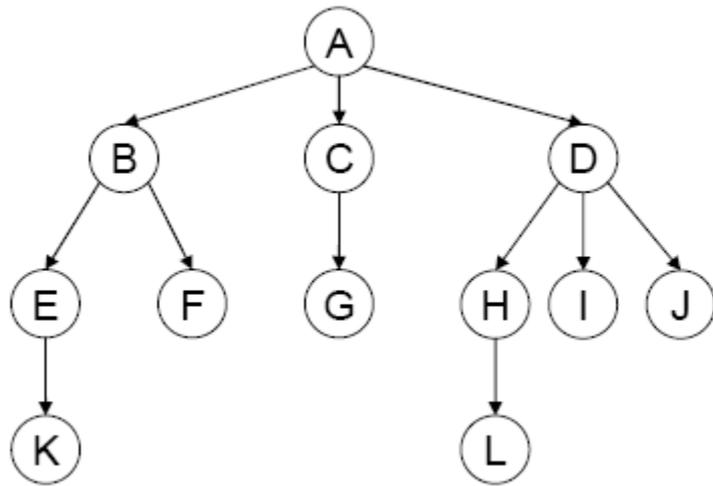


Representação por paragrafação



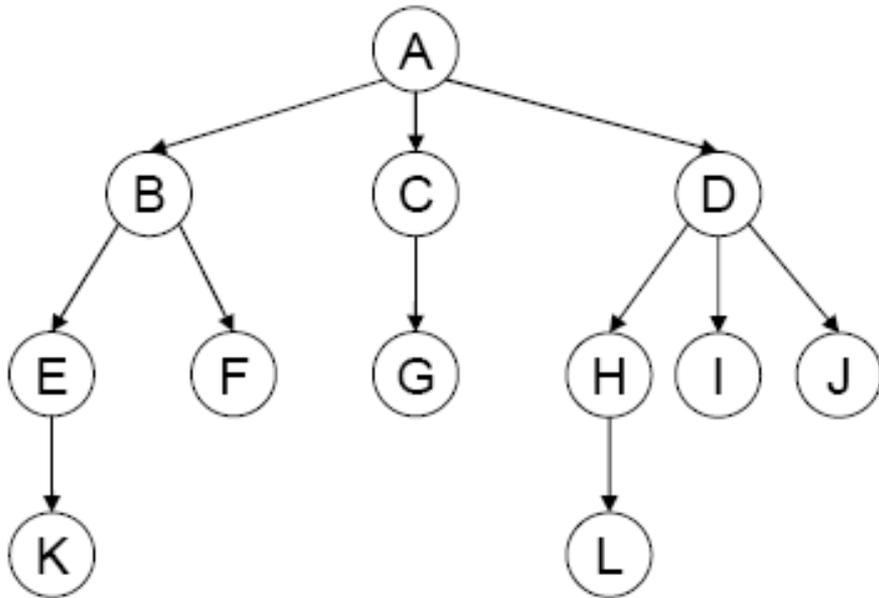
A
..B
....E
.....K
....F
..C
....G
..D
....H
.....L
....I
....J

Representação por Diagramas de Venn



Representação por parênteses aninhados

- ((A (B (E (K) (F)) C (G) D (H (L) (I) (J))))



Implementação de Árvores

- Para implementar em C **qualquer tipo de árvore** é necessário modelar as relações hierárquicas entre os valores dos nós.
 - A forma mais fácil de se representar as relações pai/filho é incluir um ponteiro no pai, apontando para o filho.
- Definimos um nó como uma estrutura e a árvore é um ponteiro para a estrutura.
- A definição é recursiva:
 - Árvores são ponteiros para nós
 - Nós são estruturas que contém árvores

Árvores Genealógicas

- Cada nó consiste de um nome de uma pessoa e um conjunto de ponteiros para seus filhos.
- Armazenando os ponteiros para os filhos em um vetor, o nó seria:

```
struct no_familia {  
    char nome[10];  
    struct no_familia* filhos[MAX_Filhos];  
}
```

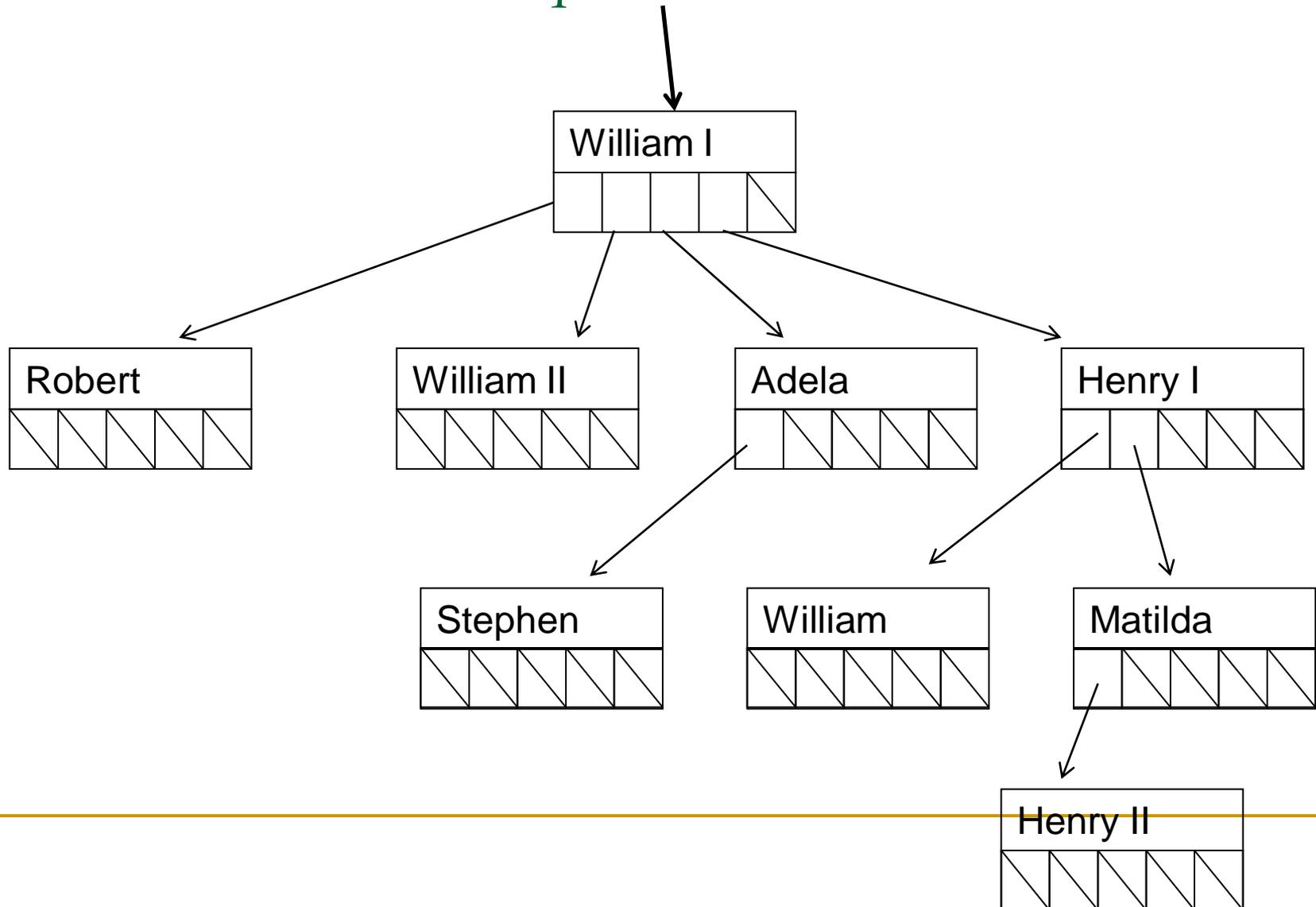
```
typedef struct no_familia* root;
```



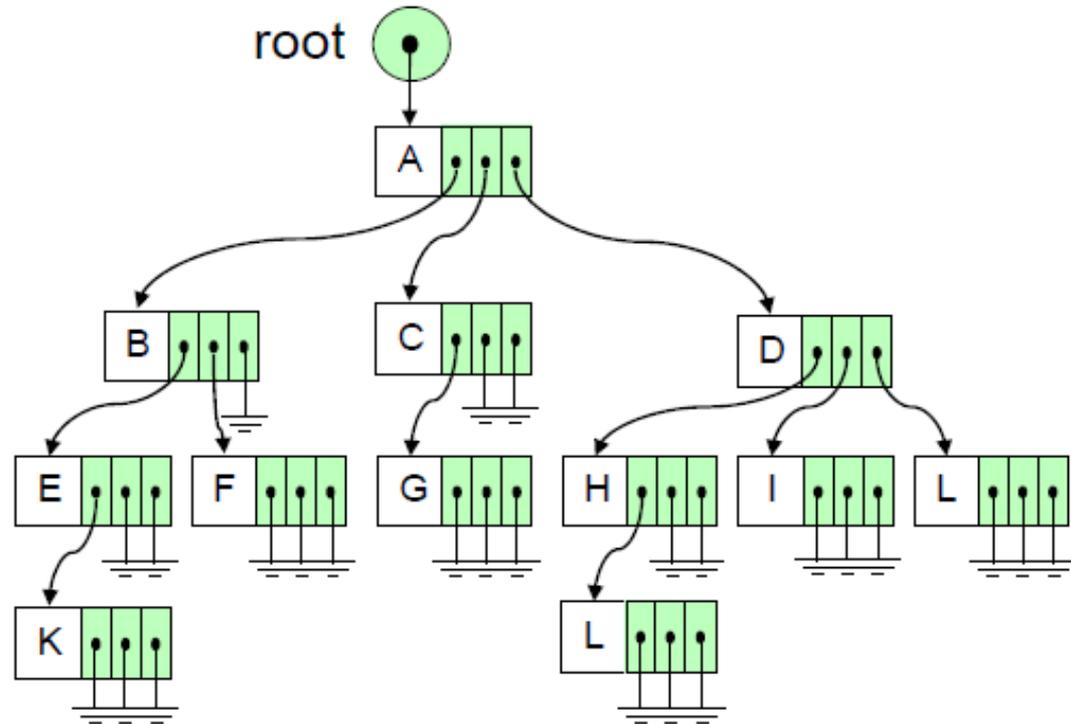
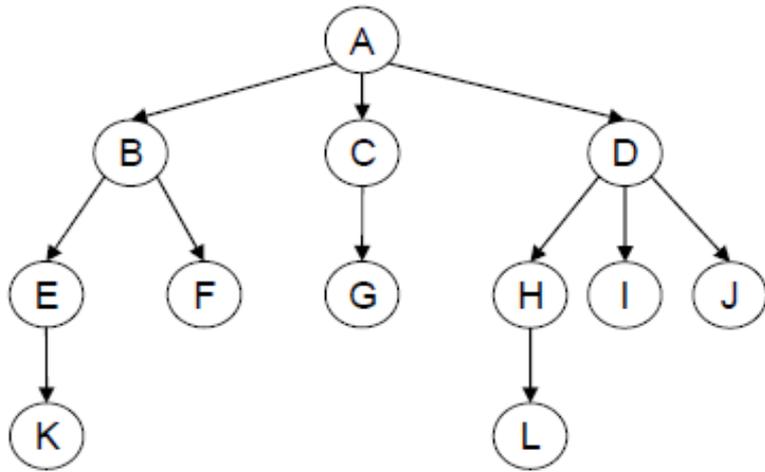
Tree.c

Tree.h

Família real que governou a Inglaterra após 1066 quando Willian o conquistador se tornou Rei Willian I



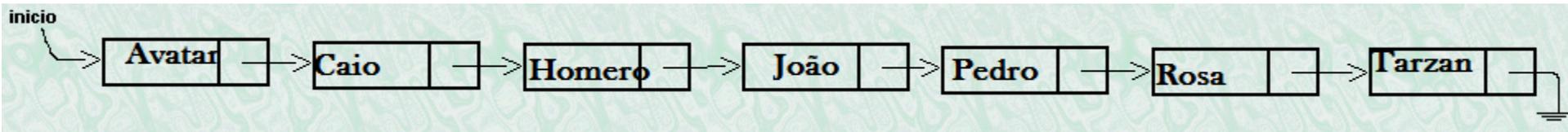
Árvores Ternárias - exemplo



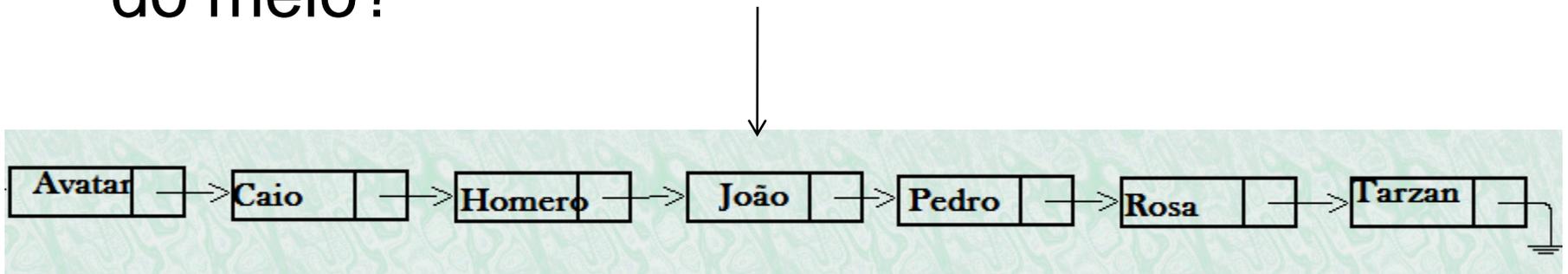
A motivação para árvores binárias ...

- Embora seja possível fazer um TAD para árvores de famílias, é mais efetivo fazer em um ambiente mais simples.
- Em muitos contextos de programação é razoável **restringir o número de filhos** para facilitar a programação.
- Uma das subclasses mais importantes de árvores, com muitas aplicações práticas, são as **árvores binárias (AB)**, que serão vistas agora...
 - Imaginem uma lista de 7 nomes, ordenados lexicograficamente....

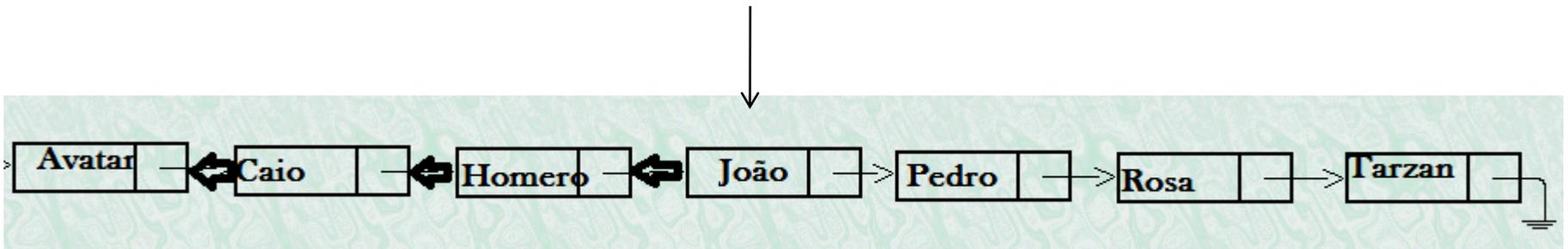
Lista ligada com 7 nomes, ordenados lexicograficamente



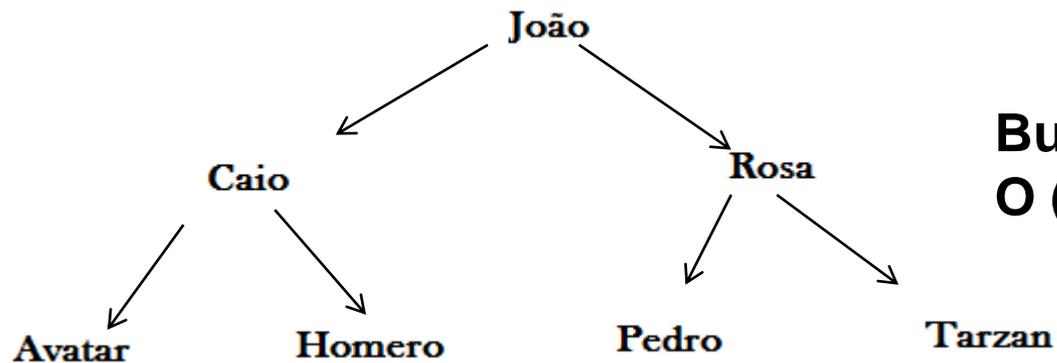
- Fácil buscar o primeiro, mas deve percorrer a lista para achar o elemento do meio: $O(N)$.
- E se houvesse um ponteiro para o elemento do meio?



- Fácil buscar o do meio, mas perdemos o acesso aos 3 primeiros.
- E se invertêssemos os ponteiros à esquerda?
- Toda a lista ficaria acessível



- Se aplicarmos este algoritmo recursivamente acabaríamos com a seguinte AB de Busca. Os nós a esquerda são menores que a raiz e os da direita são maiores que a raiz.



**Busca:
O (log N)**